

Assistant.e ingénieur.e en séquençage haut-débit

Durée du contrat : 24 mois renouvelable

Diplôme souhaité : BAC+2 ou BAC+3 dans le domaine de la biologie moléculaire

Salaire basé sur la grille INRAE, suivant expérience

Date de prise de fonction : 01/09/2021

Date de fin de validité de l'annonce : 15/06/2021

Laboratoire d'accueil

Plateforme Génome Transcriptome de Bordeaux

INRAE & Université de Bordeaux

Campus de Cestas-Pierroton

69 route d'Arcachon

33610 CESTAS

France

Contacts

Erwan Guichoux (erwan.guichoux@inrae.fr), Olivier Lepais (olivier.lepais@inrae.fr) et Laurence Delhaes (laurence.delhaes@u-bordeaux.fr)

Contexte :

La Plateforme Génome Transcriptome de Bordeaux (PGTB) est une structure académique spécialisée en séquençage et en génotypage. La PGTB développe et propose des services faisant appel à des technologies émergentes moyen et haut débit reposant sur le séquençage d'ADN (séquençage de courts et longs fragments d'ADN, reséquençage et métagénomique ciblée, séquençage de petits génomes et de transcriptomes), la recherche et le génotypage de mutations (SNP et microsatellites), la quantification de l'expression de gènes, l'analyse d'ADN environnemental, sensible ou ancien en laboratoire confiné ainsi que des services de support en matière d'analyse de biologie moléculaire courant (quantification d'acides nucléiques, contrôle de qualité, préparation de bibliothèques, ...). Vous travaillerez au quotidien au sein d'une équipe de 11 personnes, sur le campus INRAE de Cestas-Pierroton.

Missions :

Vous prendrez en charge les différentes étapes de préparation des bibliothèques et du séquençage haut-débit utilisant les séquenceurs Illumina MiSeq & iSeq100 de la PGTB :

- Préparation des bibliothèques en manuel ou sur robot
- Validation des bibliothèques (quantification et contrôle des tailles)
- Lancement des runs de séquençage
- Maintenance des séquenceurs
- Participation au suivi et à la traçabilité des analyses

Par ailleurs, vous serez impliqué.e dans la mise en service du futur séquenceur NextSeq2000 pour les applications mRNA-Seq et single-cell RNA-Seq.

Compétences attendues :

- Savoir rendre compte de son activité, savoir rassembler et mettre en forme les résultats des expériences.
- Connaître et savoir appliquer les risques et les règles d'hygiène et de sécurité d'un laboratoire de biologie moléculaire.
- Savoir utiliser les outils informatiques (logiciels de bureautique).
- Bonne maîtrise de l'anglais permettant de lire et comprendre un protocole et d'échanger par email.
- Sens de l'organisation, esprit d'équipe et goût du travail soigné sont attendus.
- Une expérience préalable en séquençage haut-débit est un plus.

Procédure de candidature

Le dossier de candidature est à envoyer par courriel à :

Erwan Guichoux (erwan.guichoux@inrae.fr), Olivier Lepais (olivier.lepais@inrae.fr) et Laurence Delhaes (laurence.delhaes@u-bordeaux.fr)

Indiquer en objet de courriel : « Candidature Assistant.e Ingénieur.e en séquençage haut-débit ».
Le dossier comprendra une lettre de motivation et un curriculum vitae détaillé.
Le dossier doit être envoyé avant le 15 juin 2021. Les entretiens seront réalisés entre le 21 et le 30 juin 2021.